



## **111 - ASSOCIAÇÃO ENTRE O GENE MTR E MTRR E QUALIDADE DE VIDA RELACIONADA À SAÚDE BUCAL (QVRSB) EM CRIANÇAS COM EXPERIÊNCIA DE CÁRIE.**

### **Autores:**

#### **Thaís de Oliveira Fernandes**

Departamento de Formação Específica do Instituto de Saúde de Nova Friburgo (FFE-ISNF) / CNPq/UFF Iniciação Científica, Universidade Federal Fluminense (UFF), Nova Friburgo, Rio de Janeiro, Brasil.

#### **Walter Fialho**

Programa de Pós-Graduação em Odontologia da Faculdade de Odontologia de Niterói/Universidade Federal Fluminense (PPGO-FOUFF) Niterói, Rio de Janeiro, Brasil.

#### **Camila Duarte**

Unidade de Pesquisa Clínica/Universidade Federal Fluminense/Niterói, Rio de Janeiro, Brasil.

#### **Jhenyfer da Silva Tavares**

Unidade de Pesquisa Clínica/Universidade Federal Fluminense/Niterói, Rio de Janeiro, Brasil.

#### **Erika Calvano Küchler**

Departamento de Ortodontia, Universidade de Regensburg, Alemanha.

#### **Lívia Azeredo Alves Antunes**

Departamento de Formação Específica do Instituto de Saúde de Nova Friburgo (FFE-ISNF) /Universidade Federal Fluminense/ Nova Friburgo, Programa de Pós-Graduação PPGO-ISNF, Programa de Pós-Graduação PPGO-FOUFF/ Niterói Rio de Janeiro, Brasil.

**Categoria:** Pesquisa Original.

[thaisof@id.uff.br](mailto:thaisof@id.uff.br)



**Palavras-chave:** Odontopediatria; Polimorfismo Genético; Cárie Dentária; Qualidade de Vida.

Este estudo transversal objetivou avaliar o impacto da severidade da experiência da cárie de na Qualidade de Vida Relacionada à Saúde Bucal (QVRSB) em crianças e verificar se os polimorfismos nos genes MTR e MTRR são potenciais biomarcadores para QVRSB em crianças com experiência de cárie. Foram selecionadas 130 crianças de 2 a 5 anos, avaliadas clinicamente e classificadas de acordo com experiência de cárie. A versão brasileira da Escala de Impacto em Saúde Bucal da Primeira Infância (ECOHIS) foi aplicada para avaliar a QVRSB. DNA genômico foi extraído da saliva. A análise da presença de polimorfismo genético em MTR (rs1805087) e MTRR (rs1801394) utilizou reações em cadeia de polimerase em tempo real. Considerando a severidade da experiência de cárie e a QVRSB, os escores medianos foram de 3,00 (1-6) e 4,00 (2-7) ( $p < 0,129$ ), no grupo de experiência de cárie de baixa severidade e no grupo de experiência de cárie de alta severidade, respectivamente. Crianças com experiência de cárie de alta severidade apresentaram impacto negativo na QVRSB no domínio da função ( $p=0,017$ ). Não houve diferença significativa entre os polimorfismos genéticos em MTR(rs1805087) e QVRSB em todos os domínios ( $p>0,05$ ), mas o gene MTRR(rs1801394) mostrou associação limítrofe ( $p=0,087$ ) com função de domínio no modelo recessivo (GG). Concluiu-se que a severidade da experiência de cárie impactou o domínio da função da QVRSB em crianças. O polimorfismo de nucleotídeo único rs1801394, alelo G, no gene MTRR pode conferir um risco aumentado para baixa QVRSB em crianças com experiência em cárie.